
ResaFLU

1ère Journée Scientifique du Réseau ResaFLU

Mercredi 27 Mars 2019

De 10h à 16h40, à la Faculté de médecine Laennec. 7-11 rue Guillaume Paradin, Lyon

9h30 – 9h50 Accueil

9h50 – 10h **Introduction** (*Nadia Naffakh, Institut Pasteur, Paris - Manuel Rosa-Calatrava, VirPath, Lyon*)

10h – 11h15 **Axe scientifique #1 : Comprendre les mécanismes d'émergence de nouveaux virus influenza**
Responsables : Mariette DUCATEZ (INRA-ENVT, Toulouse) et Gaëlle SIMON (ANSES-VIP, Ploufragan) (20 min par présentation + 5 min discussion)

10.00-10.25 : Evolution génétique et antigénique des virus influenza porcins depuis la pandémie de 2009 ; Chastagner A., Hervé S., Deblanc C., Quéguiner S., Gorin S., Barbier N., Blanchard Y., Simon G. (Anses-VIP)

10.25-10.50 : Virus influenza D : de la surveillance à la physiopathologie ; Oliva J., Lion A., Salem E., Meyer G., Ducatez M. (INRA-ENVT)

10.50-11.15 : Bruno Lina (VirPath)

11h15 – 12h30 **Axe scientifique #2 : Identifier les facteurs déterminants de la physiopathologie des infections grippales**
Responsables : Christophe CHEVALIER (INRA-VIM, Jouy-en-Josas) et Mustapha SI-TAHAR (INSERM-CEPR, Tours) (20 min par présentation + 5 min discussion)

11.15-11.40 : Features and Specificities of the Interactions Between the Influenza Replication Machinery and the Cellular Nuclear Import System: A Story of NPs and Importins- α ; Donchet A., Labaronne A., Ruigrok R., Crépin T. (IBS)

11.40-12.05 : Viral interactomics applied to influenza viruses ; Declercq M., Karim M., Biquand E., Cassonnet P., Dos Santos M., van der Werf S., Jacob Y., Demeret C. (IP-GMVR)

12.05-12.30 : Interaction NS1-ARN : les bases de la spécificité ; Wacquiez A., Goffinont S., Nadan V., Coste F., Kut E., Castaing B., Marc D. (INRA-ISP)

12h30 – 14h15 Déjeuner et visite des posters

Liste des posters par axe à la fin de ce document.

ResaFLU

14h15 – 15h30 Axe scientifique #3 : Développer de nouvelles stratégies antivirales

- Responsables : Thibaut CREPIN (IBS-MRV, Grenoble) et Manuel ROSA-CALATRAVA (VirPath, Lyon) (20 min par présentation + 5 min discussion)

14.15-14.40 : Développement de nanorings contre les virus de l'influenza aviaire de type A ; Calzas C., Mangin A., Viboud Q., Mao M., Turpaud M., Sedano L., Da Costa B., Bourgault S., Archambault D., Le Goffic R., Chevalier C. (INRA-VIM)

14.40-15.05 : Thérapie métabolique anti-grippale ; Si-Tahar M. (Université de Tours)

15.05-15.30 : Repurposing of drugs as novel influenza inhibitors from clinical gene expression infection signatures ; Pizzorno A., Terrier O., Nicolas de Lamballerie C., Julien T., Padey B., Traversier A., Roche M., Hamelin M.E., Rhéaume C., Croze S., Escuret V., Poissy J., Lina B., Legras-Lachuer C., Textoris J., Boivin G., Rosa-Calatrava M. (VirPath)

15h30-15h35 Présentation des réactifs du réseau CEIRS (Mariette DUCATEZ, INRA-ENVT)

15h35 – 16h30 Bilan de la journée - réflexions collectives sur le GDR ResaFLU (attentes, ambitions, mise en action,...)

16h30 – 16h40 Conclusions (Nadia Naffakh, Institut Pasteur, Paris - Manuel Rosa-Calatrava, VirPath, Lyon)

POSTERS

Axe scientifique #1 : Comprendre les mécanismes d'émergence de nouveaux virus influenza

P1.1 : Génomique et phylodynamique des virus influenza aviaire H5N8 hautement pathogènes lors de l'épizootie française de 2016-2017 ; Briand F.X., Niqueux E., Schmitz A., Martenot C., Cherbonnel M., Florian K., Béven V., Lucas P., Axelle S., Blanchard Y., Grasland B., Etteradossi N.

P1.2 : Analyser les risques associés aux émergences de nouveaux virus grippaux chez le porc ; Equipe Influenza Porcin, Unité Virologie Immunologie Porcines, Laboratoire de Ploufragan-Plouzané-Niort, Anses

P1.3 : Assessment of Influenza D virus in swine: first serological evidence for exposure of breeding sows in France ; Gorin S., Fablet C., Quéguiner S., Paboeuf F., Ducatez M., Hervé S., Rose N., Simon G.

P1.4 : Virus Influenza A H5N1 hautement pathogène en Afrique de l'Ouest, 2015-2018 ; Fusade-Boyer M., Pato P.S., Komlan M., Dogno K., Jeevan T., Rubrum A., Kouakou C.K., Couacy-Hymann E., Batawui D., Go-Maró E., McKenzie P., Webby R.J., Ducatez M.

P1.5 : NGS et diversité virale ; B. Lina

Axe scientifique #2 : Identifier les facteurs déterminants de la physiopathologie des infections grippales

P2.1 : Les virus influenza aviaires H5 hautement pathogènes responsables des foyers de 2015-2016 et 2016-2017 (dans les élevages de volailles en France) présentent des phénotypes distincts de virulence chez le canard mulard ; Niqueux E., Schmitz A., Briand F.X., Massin P., Martenot C., Cherbonnel M., Allée C., Chatel M., Guillemoto C., Guillou-Cloarec C., Kerbrat F., Lebras M.O., Ogor K., Pierre I., Amelot M., Courtois D., Lecoq T., Scoizec A., Huneau A., Le Bouquin S., Keïta A., Grasland B., Eterradosi N.

P2.2 : Study of influenza/bacteria co-infections in a model of reconstituted human airway epithelia. Milesi C., Bouveret M., Padey B., Pizzorno A., Rosa-Calatrava M., Terrier O.

P2.3 : The Non-structural NS1 protein of influenza viruses modulates TP53 splicing through the host factor CPSF4. Dubois J., Traversier A., Julien T., Padey B., Lina B., Rosa-Calatrava M., Terrier O.

P2.4 : Low-pathogenic avian influenza viruses hijack host's central metabolic pathways ; Meyer L., Leymarie O., Chevalier C., Esnault E., Moroldo M., Da Costa B., Georgeault S., Roingeard P., Delmas B., Quéré P., Le Goffic R.

P2.5 : Molecular characterization of PB1-F2-mediated pathology in influenza model of infection ; Chevalier C., Jamme F., Leymarie O., Da Costa B., Maisonnasse P., Réfrégiers M., Delmas B., Le Goffic R.

P2.6 : Etude des interactions de l'ARN-polymérase des virus Influenza avec l'ARN-polymérase II ; Morel J., Sedano L., Lejal N., Da Costa B., Le Goffic R., Delmas R.

P2.7 : Etude de co-infections virales IDV et BCoV dans le cadre des bronchopneumonies infectieuses chez le bovin ; Lion A., Salem E., Oliva J., Ducatez M., Meyer G.

P2.8 : Pathogénèse du virus influenza D en modèle murin : un tropisme respiratoire et entérique associé à une réponse pro-inflammatoire modérée ; Oliva J., Delverdier M., Bourgès-Abella N., Hause B., Loupias J., Pardo I., Bleuart C., Meyer G., Ducatez M.

P2.9 : The microbiota modulates viral replication in ducks infected with a H5N9 highly pathogenic avian Influenza virus ; Figuerola T., Bessière P., Delverdier M., Volmer R.

P2.10 : Features and Specificities of the Interactions Between the Influenza Replication Machinery and the Cellular Nuclear Import System: A Story of NPs and Importins- α ; Donchet A., Labaronne A., Ruigrok R., Crépin T.

P2.11 : interactions ARN/NP ; Quignon E., Marquet R.

ResaFLU

P2.12 : Des interactions fonctionnelles entre les sous-unités PB2 et PA impliquées dans la dimérisation de la polymérase virale limitent les possibilités de réassortiment génétique des virus influenza A ; Chen K.Y., Dos Santos Afonso E., Naffakh N., Isel C.

P2.13 : Impact de la balance hémagglutinine / neuraminidase sur les événements de co-infection pour les virus influenza A ; Malausse N., Van der Werf S., Naffakh N., Munier S.

P2.14 : Structural studies of actively transcribing influenza polymerase ; Wandzik J. M., Kouba T., Reich S., Cusack S.

P2.15 : Balance HA/NA ; B. Lina

P2.16 : Etude des réponses du porc à l'infection par un nouveau variant de virus influenza porcin H1N2 et évaluation de la protection vaccinale ; Deblanc C., Quéguiner S., Gorin S., Paboeuf F., Simon G.

Axe scientifique #3 : Développer de nouvelles stratégies antivirales

P3.1 : Identification and repurposing of marketed drugs as novel inhibitors of influenza viruses from clinical gene expression signatures of infection ; Padey B., Pizzorno A., Terrier O., Nicolas de Lamballerie C., Julien T., Traversier A., Roche M., Hamelin M.E., Rhéaume C., Croze S., Escuret V., Poissy J., Lina B., Legras-Lachuer C., Textoris J., Boivin G., Rosa-Calatrava M.

P3.2 : A validated and operational ferret model of influenza infection, vaccination, and antiviral treatment. Pizzorno A., Pepin M., Julien T., Traversier A., Durand L., Desetres E., Henry E., Thintoin L., Leveneur O., Lina B., Vidal S., Noel G., Rosa-Calatrava M.

P3.3 : VirNext, the technology research Platform of VirPath Laboratory. Julien T., Dulière V., Rosa-Calatrava M.

P3.4 : Towards an anti-influenza metabolic therapy?; Bréa D., Guillon A., Cezard A., Baranek T., Nadal L., Bourgeais J., Picou F., Gaillard J., Herault O., Naffakh N., Le Goffic R., Si-Tahar M.

P3.5 : Directed evolution of influenza polymerase inhibitors ; Pautrieux N., El-Achi K., Burmeister W., Hart DJ.